

- **Nombre:** Enrique L. Álvarez Castillo
- **Posición actual:** Investigador predoctoral en la Unidad de Bioinformática
- **Áreas de investigación:**
 - Análisis de datos procedentes de tecnologías NGS, especialmente RNA-seq y DNA-seq
 - Diseño e implementación de *pipelines* para dichos análisis
 - Soporte estadístico
- **Formación académica más destacada:**
 - Licenciado en Bioquímica por la Universidad Complutense de Madrid
 - Postgrado en Bioinformática y Biología Computacional por la Escuela Nacional de Sanidad
 - Postgrado en Bioestadística por la Universidad Complutense de Madrid
- **Publicaciones:**
 1. Echavarría I, López-Tarruella S, Picornell A, García-Saenz JA, Jerez, Hoadley K, Gómez HL, Moreno F, Del Monte-Millan M, Márquez-Rodas I, Alvarez E, Ramos-Medina R, Gayarre J, Massarrah T, Ocaña I, Cebollero M, Fuentes H, Barnadas A, Ballesteros AI, Bohn U, Perou CM, Martín M. Pathological response in a triple-negative breast cancer cohort treated with neoadjuvant carboplatin and docetaxel according to Lehmann's refined classification. Clin Cancer Res. 2018 Apr 15;24(8):1845-1852 (PMID: 29378733) (JCR=9.619)
 2. González-Rivera M, Picornell AC, Álvarez EL, Martín M. A Cross-Sectional Comparison of Druggable Mutations in Primary Tumors, Metastatic Tissue, Circulating Tumor Cells, and Cell-Free Circulating DNA in Patients with Metastatic Breast Cancer: The MIRROR Study Protocol. JMIR Res Protoc. 2016 Aug 16;5(3):e167 (PMID: 27531554)